

Transcriptomique

Séquençage ARN bulk et cellule unique pour le profilage d'expression et l'hétérogénéité cellulaire.

Nous séquençons l'ARN et restituons des données quantifiées et contrôlées. Extraction, préparation de librairie, séquençage et traitement primaire tournent tous dans nos propres laboratoires, sous une seule chaîne de traçabilité, avec un rapport QC sur chaque échantillon.

TECHNIQUES DISPONIBLES

TECHNIQUE	CE QU'ELLE MESURE	USAGE TYPIQUE
RNA-seq bulk	Expression à l'échelle du transcriptome, sur l'échantillon entier	Comparer conditions, traitements ou points temporels sur une cohorte
RNA-seq cellule unique	Expression mesurée cellule par cellule	Hétérogénéité cellulaire, composition d'un tissu, populations rares
Analyse d'expression génique	Quantification des transcrits et profilage d'expression	Matrices quantifiées prêtes pour les statistiques en aval
Validation RT-qPCR	Mesure ciblée de transcrits sélectionnés	Confirmation indépendante des gènes clés issus d'un séquençage

CE QUE CES TECHNOLOGIES PERMETTENT

Comparer des conditions à l'échelle du transcriptome

Traité contre non traité, point temporel contre point temporel.
Les matrices reviennent prêtes pour l'expression différentielle.

Résoudre un tissu cellule par cellule

Voir quelles populations un échantillon contient, et lesquelles se déplacent entre deux états.

Atteindre les populations rares

Détecter des sous-ensembles trop peu fréquents pour apparaître dans une moyenne bulk, où le signal serait dilué.

Confirmer avant de construire dessus

Reprendre une courte liste de transcrits issue d'un séquençage et les remesurer par RT-qPCR.

Où s'arrête ce plateau. L'expression différentielle, l'intégration entre couches omiques, la découverte de biomarqueurs et la modélisation sont assurées par l'équipe computationnelle de GenXMap, hors réservation de plateau. Demandez-les dans le même devis, les deux sont cadrés ensemble.

ÉCHANTILLONS, LIVRABLES ET COMMANDE

Échantillons. Tissu frais et congelé, cellules, sang et FFPE, entre autres.

Quantité minimale, concentration, RIN et pureté sont publiés par workflow, matériel dégradé et FFPE compris.

omics4.com/fr/rna-sample-requirements

Livrables. Un rapport QC pour chaque échantillon, les fichiers de séquençage et, quand le service le couvre, les sorties quantifiées.

Exports dans les formats que votre équipe importe déjà. Délais publiés par service.

omics4.com/fr/turnaround-times

Commande. Demandez un devis en indiquant votre type d'échantillon, le nombre d'échantillons et la question que vous vous posez.

Nous confirmons la faisabilité avant tout envoi.

omics4.com/fr/request-a-quote

DEVIS ET COMMANDE

sales@omics4.com
+33 7 69 44 16 18

ÉCHANTILLONS, PROTOCOLES, QC

lab@omics4.com

LABORATOIRE

Bâtiment Méditerranée Infection
13005 Marseille, France

OPÉRÉ PAR

GENXMAP
omics4.com/fr/platforms#p-transcriptomics