

Métagénomique & microbiome

Séquençage métagénomique 16S et shotgun pour le profilage des communautés microbiennes.

Deux profondeurs de réponse à la même question. Le 16S dit qui est présent, le shotgun dit ce que ces micro-organismes peuvent faire, et jusqu'à la souche. L'hôte et son microbiome se lisent depuis une seule collecte.

TECHNIQUES DISPONIBLES

TECHNIQUE	CE QU'ELLE MESURE	USAGE TYPIQUE
Séquençage 16S rRNA	Composition taxonomique d'une communauté bactérienne	Comparer des communautés entre conditions, sites ou points temporels
Métagénomique shotgun	La communauté entière, gènes compris	Potentiel fonctionnel et résolution à la souche
Études hôte-microbiome	Transcriptome de l'hôte et microbiome depuis une collecte	Infection, inflammation, études de barrière
Extraction sur matrices difficiles	Acides nucléiques extraits de selles, écouvillons et biofilms	Types d'échantillon où une extraction standard sous-performe

CE QUE CES TECHNOLOGIES PERMETTENT

Savoir qui est présent

Profilage taxonomique sur une cohorte, avec le même protocole sur chaque échantillon.

Lire l'hôte et le microbe ensemble

Une collecte, deux couches, pas de seconde visite de prélèvement.

Aller du nom à la fonction

Le séquençage shotgun résout les gènes et les souches, pas seulement les genres.

Comparer des communautés honnêtement

Traitement contrôlé par lot, pour qu'une différence entre groupes ne soit pas une différence entre courses.

Où s'arrête ce plateau. L'assignation taxonomique, l'analyse de diversité, l'abondance différentielle et l'intégration hôte-microbiome sont assurées par l'équipe computationnelle de GenXMap. Demandez-les dans le même devis.

ÉCHANTILLONS, LIVRABLES ET COMMANDE

Échantillons. Selles, écouvillons, biopsies, biofilms et échantillons environnementaux, entre autres.

Les protocoles de collecte et de conservation sont publiés par type d'échantillon, et les critères ADN s'appliquent après extraction.

omics4.com/fr/sampling-protocols

Livrables. Un rapport QC pour chaque échantillon et la livraison sécurisée des fichiers de séquençage.

Exports dans les formats que votre équipe importe déjà. Délais publiés par service.

omics4.com/fr/turnaround-times

Commande. Demandez un devis en indiquant votre type d'échantillon, le nombre d'échantillons et la question que vous vous posez.

Nous confirmons la faisabilité avant tout envoi.

omics4.com/fr/request-a-quote

DEVIS ET COMMANDE

sales@omics4.com
+33 7 69 44 16 18

ÉCHANTILLONS, PROTOCOLES, QC

lab@omics4.com

LABORATOIRE

Bâtiment Méditerranée Infection
13005 Marseille, France

OPÉRÉ PAR

GENXMAP
omics4.com/fr/platforms#p-metagenomics